

## پیش بینی میزان پروفیل اسیدهای آمینه در دانه ذرت و گندم با استفاده از دو مدل شبکه عصبی مصنوعی و رگرسیون خطی چند گانه

• فاطمه سارانی (نویسنده مسئول)

دانش آموخته کارشناسی ارشد، دانشگاه زابل

• حمیدرضا میرزایی

دانشیار، دانشگاه زابل

• مصطفی یوسف الهی

استادیار، دانشگاه زابل

• کاوه اکبرزاده

مری، دانشگاه امام رضا

• محمد صالحی دیندارلو

دانش آموخته کارشناسی ارشد

تاریخ دریافت: ۳۰ اسفند ۱۳۹۱ تاریخ پذیرش: ۲۲ اردیبهشت ۱۳۹۲

شماره تماس نویسنده مسئول: ۰۹۱۵۸۹۶۶۸۵۴

### چکیده:

تعیین مقدار اسیدهای آمینه مواد خوراکی بعلت آنالیزهای شیمیایی و صرف زمان در آزمایشگاه گران و وقت گیر است. در روش‌های آزمایشگاهی کنونی روش هضمی<sup>۱</sup> NIRS به طور گسترده‌ای برای این هدف استفاده می‌شود. ولی این روش دارای محدودیت‌های تکنیکی است. بنابراین یافتن روشی مناسب برای تخمین میزان اسیدهای آمینه دارای اهمیت می‌باشد. شبکه عصبی مصنوعی (ANN) می‌تواند انعکاس بهتر و دقیق تری را از رابطه میان ترکیبات تجزیه تقریبی خوراک و مقدار یک ماده مغذی خاص در آن خوراک ارائه کند. از اینرو مطالعه‌ای جهت تخمین میزان اسیدهای آمینه دانه ذرت و گندم با استفاده از مدل شبکه عصبی مصنوعی و رگرسیون خطی چندگانه (MLR) انجام شد. در مدل عصبی بکار رفته در این تحقیق، متغیرهای ورودی شامل میزان پروتئین خام، چربی خام، الیاف خام، فسفر و خاکستر و متغیر خروجی شامل پروفیل اسیدهای آمینه مربوط به ترکیب این دو نوع ماده خوراکی بود. نتایج نشان داد که بین اسیدهای آمینه در ذرت و گندم و ترکیبات شیمیایی آن ارتباط قابل توجهی وجود دارد. همچنین ارزیابی آماری نشان داد که مدل ANN در مقایسه با MLR دارای قدرت تخمین بیشتری برای برآورد میزان هریک از اسیدهای آمینه ضروری بود. با استفاده از نتایج این تحقیق توصیه می‌شود که شبکه‌های عصبی مصنوعی را می‌توان به عنوان روش محاسباتی با دقت و صحت کافی برای مدل سازی، پیش بینی و برآورد مواد مغذی ترکیب مواد خوراکی مورد استفاده در طیور به کار برد.

واژه‌های کلیدی: اسیدهای آمینه، ذرت، رگرسیون خطی، شبکه عصبی مصنوعی، گندم

Animal Sciences Journal (Pajouhesh &amp; Sazandegi) No 103 pp: 195-204

**Prediction of amino acids contents in corn and wheat by using artificial neural network model and multiple linear regression***sarani, fatemeh. Mirzaei, hamidreza.yousefelahei, mostafa. Akbarzadeh, kaveh. Salehi, mohammad.(Tel: +989158966854). E.mail: f.sarani452@gmail.com***Received: March 2013****Accepted: May 2013**

To determine the amount of food amino acid and to spend time in the laboratories are expensive & time-consuming due to a chemical analysis. In the current laboratories, digestion NIRS method is widely used for this purpose. But this method has technical limitation. Therefore is important find appropriate method for estimate amount of amino acids. Artificial Neural Network (ANN) can provide a better reflection of the relationship between approximation feed composition and particular nutrient amount in that feed. Therefore, this study was performed to estimate amino acids corn and wheat by using artificial neural networks and multiple linear regression (MLR). In neural models used in the study, input variables include crude protein, crude fat, crude fibre, phosphorus and ash, and output variables include profiles of amino acids relevant to combination of these two types of feed. The Results showed that there is a significant relationship Between amino acids in corn and wheat and its chemical composition. Also The statistical evaluation showed that the ANN model compared with MLR was a stronger estimation for prediction the amount of each amino acids. Hence the artificial neural network as a powerful tool for modelling, forecasting and estimating the nutrient composition of foods used poultry. Using the results of this study, it is recommended that artificial neural network can be used as a computational method with sufficient accuracy for modelling, prediction and estimation of the nutrient composition of foods used in poultry.

**Keywords: amino acids, artificial neural network, corn, linear regression, wheat****مقدمه**

به این موضوع پی برد که ترکیب متوازن و مناسب اسیدهای آمینه تا چه اندازه می تواند ما را در جهت ایجاد یک جیره مناسب یاری دهد و این مقدر نیست مگر اینکه ما اطلاعات کافی از میزان مواد مغذی موجود در مواد خوراکی داشته باشیم. تعیین مقدار اسیدهای آمینه مواد خوراکی بعلا آنالیزهای شیمیایی و صرف زمان در آزمایشگاه گران و وقت گیر است. و انجام مراحل آزمایشگاهی آن نیاز به مهارت و دقت بالایی دارد بطوریکه هر گونه خطایی در حین آزمایش تأثیر زیادی بر نتایج نهایی دارد. صرف هزینه در زمان و پول محققین را به جستجوی راه حلی مناسبتر برای تخمین میزان اسیدهای آمینه موجود در اجزاء خوراک وادار کرد. از دیر باز مدل های رگرسیونی خطی چندگانه (MLR) برای تخمین میزان اسیدهای آمینه برخی مواد خوراکی با استفاده از پروتئین و یا تجزیه تقریبی مورد استفاده قرار گرفته اند (NRC, 1994). اما ضریب تبیین ( $R^2$ ) بدست آمده از این مدلها متغیر و گاهی پایین می باشد. استفاده از شبکه های عصبی مصنوعی (ANN) برای تخمین دقیق تر میزان اسیدهای آمینه مواد خوراکی با استفاده از ترکیبات شیمیایی می تواند نتایج بهتری را به همراه داشته باشد. توانایی شبکه

معمولاً تراکم مواد مغذی موجود در دانه بیش از مواد مغذی ذخیره شده در سایر اندام های گیاهی می باشد و بنابراین دانه ها ارزش بیشتری در تغذیه دام دارند (Hashemi, 2000). خوراکهای دام و طیور از نظر مقدار و کیفیت مواد مغذی ناهمگن ترین محصولات کشاورزی محسوب می گردند. گستردگی و تنوع در این منابع خوراکی بر این ناهمگنی می افزاید. قدر مسلم چنین تغییرات وسیعی در کیفیت و ترکیبات مغذی خوراکها، شناسایی و ارزشیابی آنها را مشکل تر و پیچیده تر می سازد. از طرفی بدلیل تأثیر شدید عوامل محیطی، اقلیمی و مدیریتی بر مقدار، کیفیت و ارزش غذایی و قیمت مواد خوراکی، اهمیت شناسایی منابع محلی خوراک دام و تعیین ارزش غذایی آنها به منظور استفاده بهینه در تغذیه دام امری ضروری می باشد (Tabatabai, 2000., Bashtiny, 2002, Tavakoli, 2002). در بین تمام مواد مغذی، احتمالاً کمبود پروتئین (ازت یا اسیدهای آمینه) متداولترین نوع کمبود می باشد. فقدان هر یک از اسیدهای آمینه نظیر متیونین، لایزین، ترئونین و یا دیگر اسید های آمینه ضروری می تواند باعث محدود شدن رشد حیوانات مزرعه ای گردد (Johannes et al., 2002). با توجه به آنچه ذکر شد می توان

است. در واقع باید گفت که طیف نمایی NIR، انقلابی در آنالیز مواد غذایی علوفه‌ها به بار آورده است. با وجود سابقه مطالعاتی نسبتاً زیاد (بیش از دو دهه) در برخی کشورها، روش‌های طیفی از جمله NIR در ایران جدید و ناشناخته‌اند و هنوز مطالعه‌ای جدی و جامع در این زمینه صورت نگرفته است و فن آوری آن نیز به تازگی وارد کشور شده است (Charesaz, 2009).

### شبکه‌های عصبی مصنوعی

شبکه‌های عصبی مصنوعی پدیده‌ای است که در همه علوم مورد استفاده قرار می‌گیرد. این سیستم از شمار زیادی عناصر پردازشی فوق العاده بهم پیوسته به نام نرون تشکیل شده که برای حل مسأله بصورت هماهنگ عمل می‌کنند. مجموعه‌ای از این نرون‌ها که توسط رشته‌های باریکی به هم وصل می‌شود، عمل یادگیری را در انسان به عهده دارد. از این رو آن را در علم بیولوژیکی شبکه عصبی، و در رشته هوش مصنوعی، شبکه‌های عصبی مصنوعی نامیده‌اند (Mehrho, 2007). از آنجائیکه اساس استفاده از روش شبکه‌های عصبی مصنوعی، به وجود اطلاعات صحیح و کافی استوار است، به منظور تحقق اهداف این تحقیق مراحل سه گانه‌ای صورت گرفته است. در مرحله اول، یک مجموعه اطلاعات کامل از ورودی‌ها جمع آوری که این اطلاعات شامل آنالیز مواد مغذی می‌باشد. در مرحله دوم با استفاده معقول از اطلاعات به دست آمده در مرحله اول، سعی گردیده که قابلیت‌های روش شبکه عصبی مصنوعی در زمینه تخمین میزان اسیدهای آمینه ضروری مشخص گردد. بدین منظور از شبکه عصبی پرسپترون سه لایه Three Layer MLP net work استفاده شد. در مرحله سوم نتایج حاصل از این روشها مورد بحث و بررسی قرار گرفت. در شبکه عصبی پرسپترون سه لایه از الگوریتم پس انتشار خطا، به عنوان الگوریتم یادگیری شبکه، و از تابع فعالسازی tansig به عنوان تابع محرک نرون‌های میانی، استفاده شد. و در آخر برای اثبات این ادعا که شبکه‌های عصبی نسبت به معادلات خطی از ضرایب بهتری برای برآورد ضریب تبیین اسیدهای آمینه برخوردارند و همچنین برای تعیین مناسبترین مدل به روش رگرسیونی چندگانه (Multiple Linear Regression (MLR) معیارهای ضریب تبیین  $R^2$ ، واریانس خطا  $(MSE)^3$ ، و همچنین ریشه نرمالیز شده واریانس خطا  $(NRMSE)^4$  برای هر کدام از اسیدهای آمینه با استفاده از نرم افزار مطلب برآورد شد. در رگرسیون خطی چندگانه تأثیر همزمان و خطی دو یا چند متغیر مستقل را روی متغیر وابسته‌ای اندازه می‌گیریم. این ضریب نشان می‌دهد که شدت رابطه متغیرهای مستقل به طور کلی با متغیر وابسته به چه میزان است.

### طراحی و آموزش کلی شبکه‌های عصبی چند لایه

معمولترین الگوریتم یادگیری برای کاهش خطا، روش پس انتشار خطا

عصبی مصنوعی برای تخمین میزان اسیدهای آمینه موجود در مواد خوراکی مورد آزمایش قرار گرفته است (Cravener and Roush, 1999; 2001., Roush and Cravener, 1997).

Sedghi et al, 2011 از مدل‌های ANN و MLR جهت تخمین میزان TMEn دانه سورگوم با استفاده از ترکیبات شیمیایی (ترکیبات فنلی، پروتئین خام، چربی خام، فیبر خام و خاکستر) استفاده کردند. نتایج این تحقیق نشان داد که TMEn سورگوم توسط شبکه‌های عصبی مصنوعی با صحت و دقت بیشتری نسبت به مدل‌های رگرسیونی قابل تخمین می‌باشد. از آنجائیکه الگوی اسیدهای آمینه دانه‌ها تابعی از خصوصیات ژنتیکی آنهاست، انتظار می‌رود با اعمال تجزیه تقریبی بتوان راه حلی برای برآورد مقدار و الگوی اسیدهای آمینه غلات پیدا نمود. یک تخمین درست و دقیق از ترکیبات خوراکی با توجه به تعریف صحیح از نیاز مندبهای حیوان می‌تواند هزینه فرمولاسیون جیره را کاهش دهد. با توجه به مطالب گفته شده در جستجوی راه حلی برای تخمین میزان اسیدهای آمینه مواد خوراکی در مدت زمان کوتاه تر همراه با هزینه‌های پایین تر هستیم. بنابراین هدف از این مطالعه، بررسی امکان استفاده از مدل‌های ANN و MLR و مقایسه این دو مدل، جهت تخمین سطح اسیدهای آمینه موجود در ذرت و گندم از روی ترکیبات شیمیایی (پروتئین خام، چربی خام، الیاف خام، فسفر و خاکستر) می‌باشد.

### مواد و روشها

به منظور پیش بینی میزان اسیدهای آمینه ضروری با استفاده از روش مدلسازی به کمک شبکه عصبی مصنوعی، میزان پروتئین خام، چربی خام، الیاف خام، فسفر و خاکستر در بیست تکرار برای نه رقم زراعی گندم شامل گندم پیشگام، فلات، پیشتاز، بهار، توس، گاسکوژن، سیوند، کراس بولانی، سپاهان و هفت رقم زراعی ذرت شامل ذرت فجر، ذرت شیراز، ذرت دهقان، ذرت ۷۰۶، ذرت ۷، ذرت ۷۰۰، ذرت ۷۰۴ اندازه گیری شد. نمونه‌های خشک شده با آسیاب برقی (Foss) مدل ۱۰۹۰، ساخت کشور سوئد آسیاب شدند (قطر یک میلیمتری). درصد ماده خشک، خاکستر، چربی خام (سوکسله) و پروتئین خام (کجدال) طبق روشهای استاندارد محاسبه شد (AOAC, 1990). برای تعیین فیبر خام از دستگاه فایبرتیک سیستم مدل Heat Extractor1010 ساخت کشور سوئد استفاده شد (AOAC, 1990). فسفر به روش اسپکتروفتومتر اندازه گیری شد (AOAC, 1990). برای تجزیه الگوی اسیدهای آمینه با روش NIRS نمونه‌های آسیاب شده به شرکت دگوسای تهران ارسال شد.

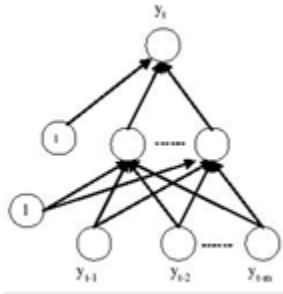
### اشعه مادون قرمز نزدیک (NIRS)

طیف سنجی اشعه مادون قرمز نزدیک، یک روش فیزیکی و غیر مخرب

<sup>2</sup> - R- square

<sup>3</sup> - Mean Square Error (MSE)

<sup>4</sup> - Normalize Root MSE (NRMSE)



شکل ۱- شبکه عصبی پرسپترون سه لایه (SHakibai and Koochekzadeh, 2009)

### نتایج

ضرب تبیین اسید های آمینه در ذرت و گندم با ورودی همزمان پروتئین خام و فسفر، توسط عملکرد شبکه عصبی پرسپترون سه لایه به ترتیب در جدول ۱ و ۲ نشان داده شده است. همچنین واریانس خطا، ریشه نرمالیز شده واریانس خطا نیز محاسبه شد. جدول ۳ و ۴ ضرب تبیین برآورد شده را با استفاده از مواد مغذی نشان می دهد.

همانطور که مشاهده می کنیم گندم نسبت به ذرت با استفاده از ورودی پروتئین خام و ترکیبات شیمیایی (پروتئین خام، چربی خام، الیاف خام، فسفر و خاکستر) از ضرب تبیین بالاتری برخوردار است. جدول ۵ و ۶ ضرب تبیین برآورد شده به روش رگرسیون خطی چندگانه را جهت پیش بینی اسید های آمینه ضروری در ذرت و گندم نشان می دهد. مطابق جدول ۱ کمترین میزان ضرب تبیین را شبکه عصبی پرسپترون سه لایه با ورودی پروتئین خام + فسفر برای تریونین ۰/۷۸ و واریانس خطای ۴-۱۰ × ۲/۵۸ برآورد کرد. و بالاترین میزان برای والین ۰/۹۸ و واریانس خطای ۵-۱۰ × ۷/۵۰ درصد محاسبه شد. با استفاده از ترکیبات شیمیایی به روش رگرسیونی خطی چندگانه (جدول ۵) بیشترین ضرب تبیین برای آرژنین و فنیل آلانین ۰/۶۱، و کمترین میزان برای متیونین ۰/۴۵ به دست آمد.

جداول ۷ و ۸ معادله خطی برآورد شده را جهت پیش بینی میزان اسید های آمینه در ذرت و گندم نشان می دهند.

طبق جدول ۲ در گندم کمترین میزان ضرب تبیین را شبکه عصبی پرسپترون سه لایه با ورودی پروتئین خام + فسفر برای تریونین ۰/۶۸ و واریانس خطای ۵-۱۰ × ۴/۵۵ برآورد کرد. و بالاترین میزان برای سیستئین ۰/۹۸ و واریانس خطای ۵-۱۰ × ۳/۶۹ به دست آمد.

به روش خطی (جدول ۶) بیشترین میزان ضرب تبیین برای سیستئین، هیستیدین، فنیل آلانین و والین ۰/۶۴، و کمترین میزان برای تریپتوفان و لایزین به ترتیب ۰/۵۶ و ۰/۵۵ به دست آمد.

است که در ۹۵٪ کاربردهای امروزی شبکه عصبی، روش مورد استفاده به همراه توپولوژی جلورونده است (Saemi and Gilani, 2006). در این روش، پس از محاسبه خطا، وزن های سیناپسی از آخرین لایه به سوی نخستین لایه، به تدریج طوری تغییر می کنند که خطای محاسباتی کاهش یابد. در واقع پس انتشار، سرشکن کردن خطا بر روی سلول های یک لایه و نیز لایه های بعدی است. شبکه های عصبی با توجه به تعداد واحد های پردازشگر یا نرون ها در لایه میانی، تعداد لایه های میانی، ضرایب یادگیری شامل نرخ آموزش و ضریب مومنتوم، دارای قابلیت پیشگویی و کارایی های مختلفی هستند. در طی دوره آموزش شبکه عصبی، این پارامترها مرتباً به روش آزمون و خطا تغییر می کنند. در این تحقیق نیز در شبکه عصبی پرسپترون سه لایه این کار تا جایی که شبکه بهینه جهت پیش بینی مناسب اسید های آمینه ضروری به دست آمد ادامه یافت. توپولوژی و ساختار شبکه عصبی، نقش مؤثری در میزان تغییرات نرخ یادگیری و سرعت آموزش شبکه دارد. از اینرو تعیین بهینه تعداد لایه ها و تعداد نرون های موجود در لایه مخفی، جزء مهم ترین پارامتر های طراحی شبکه به شمار می روند. افزایش نرون ها و تعداد لایه ها موجب پیچیدگی شبکه و در نتیجه افزایش زمان یادگیری و کاهش کارایی آن می گردد. از طرفی با کاهش تعداد نرون ها در لایه مخفی (کمتر از تعداد بهینه)، خطای ایجاد شده روند صعودی داشته و شبکه مورد نظر واگرا می گردد (Smith, 1993). در این مطالعه، ضرب تبیین به عنوان معیار سنجش کارایی شبکه بهینه استفاده شده است. با توجه به اینکه متغیر های تأثیر گذار و مستقل برای برآورد اسید های آمینه در این تحقیق پنج ماده مغذی بودند، بنابراین الگوی ورودی مسأله بستگی به این داشت که از چند نوع ماده مغذی در برآورد اسید آمینه استفاده شده است. لایه خروجی نیز همانند متغیر وابسته عمل کرده و تعداد نرون های آن بستگی به تعداد متغیر وابسته (اسید آمینه) دارد. برای تعیین تعداد نرون های لایه میانی در شبکه عصبی پرسپترون سه لایه از روش آزمون و خطا استفاده شد و بهترین برآورد با ۷ نرون در لایه میانی به دست آمد. بعد از انجام آزمایشهای متعدد و به منظور طراحی شبکه عصبی بهینه، ۷۵٪ داده های موجود برای یادگیری و مابقی برای تست شبکه در نظر گرفته شد. پانزده درصد از داده های تست برای جلوگیری از خصوصی شدن (Over Fitting) شبکه به بخش اعتبار سنجی تعلق گرفت. توانایی پیشگویی و قدرت تعمیم پذیری شبکه عصبی آموزش دیده، با استفاده از داده هایی ارزیابی شد که در فرآیند یادگیری شرکت نداشتند. این داده های جدید که از نوع داده های آموزشی هستند، اصطلاحاً داده های آزمایشی نام دارند.

در تمام مراحل این محاسبات از بسته نرم افزاری شبکه عصبی در نرم افزار ریاضی (ver, 10 MATLAB) استفاده شد.

جدول ۱- نتایج حاصل از عملکرد مدل شبکه عصبی مصنوعی برای تخمین مقادیر اسیدهای آمینه در ذرت بر اساس درصد پروتئین خام و فسفر

ذرت	آموزش			اعتبارسنجی			آزمون		
	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE
آرژنین	۰/۲۱	۰/۲۷	۰/۰۰۰۱	۰/۲۴	۰/۳۳	۰/۰۰۰۵	۴/۹۹×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۱	۱/۳۲×۱۰ <sup>-۴</sup>
سیستین	۰/۲۰	۰/۳۲	۹/۵۷×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۰۴	۰/۴۹	۲/۳۶×۱۰ <sup>-۵</sup>	۵/۲۷×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۰	۶/۴۲×۱۰ <sup>-۵</sup>
هیستدین	۰/۱۶	۰/۲۴	۱/۱۸×۱۰ <sup>-۴</sup>	۰/۵۹	۰/۲۵	۲/۲۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۶۸	۰/۱۶	۶/۰۱×۱۰ <sup>-۵</sup>
ایزولوسین	۰/۲۲	۰/۵۳	۰/۰۰۰۳	۰/۰۳	۰/۵۵	۲/۵۴×۱۰ <sup>-۴</sup>	۰/۴۹	۰/۲۲	۰/۰۰۰۳
لوسین	۰/۲۶	۰/۳۲	۰/۰۰۴۰	۰/۹۷	۱/۳۵	۰/۰۲۸۹	۱/۸۸×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۶	۵/۹۷×۱۰ <sup>-۳</sup>
لایزین	۰/۲۸	۰/۴۵	۹/۹۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۶۸	۰/۲۷	۲/۸۷×۱۰ <sup>-۵</sup>	۱/۱۵×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۸	۱/۱۴×۱۰ <sup>-۴</sup>
متیونین	۰/۱۹	۰/۴۴	۰/۰۰۰۲	۰/۲۶	۰/۴۲	۶/۷۶×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۵۳	۰/۱۹	۵/۱۴×۱۰ <sup>-۵</sup>
متیونین + سیستین	۰/۲۹	۱/۱۲	۰/۰۰۶۷	۰/۲۱	۰/۳۳	۰/۰۰۰۳	۰/۱۸	۰/۲۹	۰/۰۰۰۴
فنیل آلانین	۰/۴۶	۰/۴۶	۰/۰۰۱۴	۰/۶۲	۰/۵۶	۱/۳۴×۱۰ <sup>-۳</sup>	۳/۳۷×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۴۶	۱/۸۴×۱۰ <sup>-۳</sup>
ترفونین	۰/۵۳	۰/۳۳	۲/۵۸×۱۰ <sup>-۴</sup>	۰/۰۲	۰/۴۵	۰/۰۰۰۲	۲/۷۶×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۵۳	۸/۶۸×۱۰ <sup>-۴</sup>
تریپتوفان	۰/۴۹	۰/۳۸	۵/۱۲×۱۰ <sup>-۶</sup>	۰/۶۲	۰/۴۱	۶/۱۸×۱۰ <sup>-۶</sup>	۰/۲۱	۰/۴۹	۱/۱۹×۱۰ <sup>-۵</sup>
والین	۰/۳۸	۰/۱۲	۷/۵۰×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۲۴	۰/۳۶	۰/۰۰۰۶	۰/۰۴	۰/۳۸	۰/۰۰۱۰

جدول ۲- نتایج حاصل از عملکرد مدل شبکه عصبی مصنوعی برای تخمین مقادیر اسیدهای آمینه در گندم بر اساس درصد پروتئین خام و فسفر

ذرت	آموزش			اعتبارسنجی			آزمون		
	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	NRMSE	MSE
آرژنین	۰/۱۷	۰/۲۲	۰/۰۰۰۴	۰/۸۲	۰/۱۶	۰/۰۰۰۲	۵/۴۱×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۱۷	۲/۴۸×۱۰ <sup>-۴</sup>
سیستین	۰/۳۰	۰/۲۳	۳/۶۹×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۳۵	۰/۲۹	۱/۲۹×۱۰ <sup>-۴</sup>	۲/۹۹×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۳۰	۱/۲۷×۱۰ <sup>-۴</sup>
هیستدین	۰/۲۰	۰/۱۰	۱/۸۴×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۶۳	۰/۳۰	۶/۸۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۴۸	۰/۲۰	۱/۱۲×۱۰ <sup>-۴</sup>
ایزولوسین	۰/۲۸	۰/۱۶	۵/۵۱×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۹۵	۰/۲۷	۳/۳۵×۱۰ <sup>-۴</sup>	۰/۰۳	۰/۲۸	۴/۸۰×۱۰ <sup>-۴</sup>
لوسین	۰/۲۷	۰/۳۹	۰/۰۰۰۲	۰/۹۳	۰/۱۱	۰/۰۰۰۲	۱/۸۶×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۷	۱/۶۱×۱۰ <sup>-۳</sup>
لایزین	۰/۲۴	۰/۵۰	۱/۱۲×۱۰ <sup>-۴</sup>	۰/۴۳	۰/۳۳	۲/۴۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۳/۹۶×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۲۴	۹/۴۹×۱۰ <sup>-۵</sup>
متیونین	۰/۱۸	۰/۳۸	۱/۴۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۲۰	۰/۵۹	۳/۴۳×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۶۳	۰/۱۸	۳/۰۶×۱۰ <sup>-۵</sup>
متیونین + سیستین	۰/۲۱	۰/۳۹	۸/۰۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۶۹	۰/۲۱	۲/۸۷×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۵۳	۰/۲۱	۰/۰۰۰۲
فنیل آلانین	۰/۳۱	۰/۵۳	۰/۰۰۱	۰/۰۲	۰/۳۷	۰/۰۰۱۵	۱/۸۲×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۳۱	۱/۴۴×۱۰ <sup>-۳</sup>
ترفونین	۰/۳۴	۰/۲۳	۴/۵۵×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۹۳	۰/۰۹	۱/۹۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۱/۵۶×۱۰ <sup>-۱</sup>	۰/۳۴	۳/۴۱×۱۰ <sup>-۴</sup>
تریپتوفان	۰/۴۸	۰/۴۴	۹/۳۴×۱۰ <sup>-۶</sup>	۰/۲۲	۰/۳۲	۳/۰۳×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۰۳	۰/۴۸	۶/۶۱×۱۰ <sup>-۵</sup>
والین	۰/۲۳	۰/۲۵	۶/۹۰×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۸۴	۰/۱۵	۴/۶۸×۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۴۵	۰/۲۳	۰/۰۰۰۴

جدول ۳- برآورد ضریب تبیین اسیدهای آمینه با استفاده از درصد مواد مغذی و روش شبکه عصبی مصنوعی در ذرت

R <sup>2</sup>						
ترکیبات شیمیایی	خاکستر	فسفر	چربی خام	فیبر خام	پروتئین خام	
آرژنین	۰/۳۹	۰/۱۵	۰/۰۹	۰/۰۱	۰/۷۱	
سیستین	۰/۴۸	۰/۲۱	۰/۲۳	۰/۳۹	۰/۶۲	
هیستیدین	۰/۷۳	۰/۵۲	۰/۲۲	۰/۲۷	۰/۶۱	
ایزولوسین	۰/۳۱	۰/۵۳	۰/۴۳	۰/۱۵	۰/۶۲	
لوسین	۰/۸۰	۰/۴۹	۰/۱۸	۰/۳۹	۰/۳۶	
لایزین	۰/۰۶	۰/۱۷	۰/۲۰	۰/۰۶	۰/۸۰	
متیونین	۰/۷۷	۰/۳۲	۰/۱۳	۰/۳۵	۰/۴۱	
متیونین+سیستین	۰/۶۳	۰/۲۰	۰/۰۸	۰/۳۳	۰/۴۹	
فنیل آلانین	۰/۶۷	۰/۳۳	۰/۱۱	۰/۳۵	۰/۴۷	
ترئونین	۰/۵۶	۰/۳۸	۰/۲۲	۰/۳۳	۰/۴۷	
تریئوفان	۰/۵۳	۰/۳۲	۰/۳۱	۰/۰۸	۰/۷۸	
والین	۰/۸۷	۰/۳۵	۰/۰۳	۰/۴۰	۰/۳۱	

جدول ۴- برآورد ضریب تبیین اسیدهای آمینه با استفاده از درصد مواد مغذی و روش شبکه عصبی مصنوعی در گندم

R <sup>2</sup>						
ترکیبات شیمیایی	خاکستر	فسفر	چربی خام	فیبر خام	پروتئین خام	
آرژنین	۰/۲۳	۰/۵۲	۰/۱۱	۰/۰۳	۰/۸۵	
سیستین	۰/۴۸	۰/۵۴	۰/۱۳	۰/۰۵	۰/۸۳	
هیستیدین	۰/۴۱	۰/۵۱	۰/۴۰	۰/۰۶	۰/۹۳	
ایزولوسین	۰/۴۲	۰/۳۲	۰/۶۲	۰/۰۶	۰/۸۹	
لوسین	۰/۶۷	۰/۱۸	۰/۲۴	۰/۰۶	۰/۸۲	
لایزین	۰/۱۲	۰/۲۷	۰/۷۳	۰/۱۱	۰/۶۵	
متیونین	۰/۱۸	۰/۳۳	۰/۱۳	۰/۳۶	۰/۸۹	
متیونین+سیستین	۰/۰۸	۰/۱۸	۰/۲۲	۰/۰۳	۰/۷۳	
فنیل آلانین	۰/۱۱	۰/۵۳	۰/۶۲	۰/۰۲	۰/۸۶	
ترئونین	۰/۱۵	۰/۳۴	۰/۰۱	۰/۰۸	۰/۷۵	
تریئوفان	۰/۲۱	۰/۳۰	۰/۱۲	۰/۱۳	۰/۶۷	
والین	۰/۴۱	۰/۱۷	۰/۰۷	۰/۰۵	۰/۸۸	

جدول ۵- شاخص‌های آماری درون یابی خطی جهت پیش بینی میزان اسیدهای آمینه در ذرت با استفاده از ترکیبات شیمیایی

MAPE	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	
۰/۰۲۲	۰/۱۶	۰/۰۰۰۱	۰/۶۱	آرژنین
۰/۰۳۶	۰/۱۹۶۴	$6/48 \times 10^{-5}$	۰/۴۹	سیستئین
۰/۰۳۰	۰/۱۷۲۷	$8/07 \times 10^{-5}$	۰/۵۵	هیستیدین
۰/۰۳۸	۰/۱۶۹۷	۰/۰۰۰۲	۰/۵۹	ایزولوسین
۰/۰۴۱	۰/۱۵۴۸	۰/۰۰۲۹	۰/۵۹	لوسین
۰/۰۲۴	۰/۱۹۳۳	$5/39 \times 10^{-5}$	۰/۴۹	لایزین
۰/۰۴۰	۰/۲۱۲۶	$6/19 \times 10^{-5}$	۰/۴۵	متیونین
۰/۰۳۹	۰/۲۰۱۷	۰/۰۰۰۳	۰/۴۸	متیونین + سیستئین
۰/۰۳۵	۰/۱۵۳۳	۰/۰۰۰۳	۰/۶۱	فنیل آلانین
۰/۰۲۹	۰/۱۶۸۲	۰/۰۰۰۱	۰/۶۰	ترئونین
۰/۰۱۹	۰/۱۹۴۹	$2/43 \times 10^{-6}$	۰/۵۴	تریئوفان
۰/۰۳۳	۰/۱۷۲۸	۰/۰۰۰۳	۰/۵۹	والین

جدول ۶- شاخص‌های آماری درون یابی خطی جهت پیش بینی میزان اسیدهای آمینه در گندم با استفاده از ترکیبات شیمیایی

MAPE	NRMSE	MSE	R <sup>2</sup>	
۰/۰۱۷	۰/۱۶۸۱	۰/۰۰۰۲	۰/۶۱	آرژنین
۰/۰۱۵	۰/۱۶۸۱	$4/03 \times 10^{-5}$	۰/۶۴	سیستئین
۰/۰۱۸	۰/۱۶۰۳	$6/95 \times 10^{-5}$	۰/۶۴	هیستیدین
۰/۰۱۹	۰/۱۶۳۵	۰/۰۰۰۲	۰/۶۳	ایزولوسین
۰/۰۱۸	۰/۱۵۹۳	۰/۰۰۰۶	۰/۶۲	لوسین
۰/۰۱۴	۰/۱۷۵۲	$5/16 \times 10^{-5}$	۰/۵۵	لایزین
۰/۰۱۷	۰/۱۶۷۴	$2/69 \times 10^{-5}$	۰/۶۰	متیونین
۰/۰۱۵	۰/۱۶۹۰	۰/۰۰۰۱	۰/۶۲	متیونین + سیستئین
۰/۰۲۲	۰/۱۶۱۳	۰/۰۰۰۴	۰/۶۴	فنیل آلانین
۰/۰۱۶	۰/۱۶۹۵	$8/69 \times 10^{-5}$	۰/۶۱	ترئونین
۰/۰۱۴	۰/۱۶۹۳	$9/92 \times 10^{-5}$	۰/۵۶	تریئوفان
۰/۰۱۶	۰/۱۶۵۹	۰/۰۰۰۲	۰/۶۴	والین

جدول ۷- برآورد فراسنجه‌ها و معیارهای تعیین صحت مدل خطی در ذرت

ذرت	a0	a1	a2	a3	a4	a5	R <sup>2</sup>	MSE	NRMS E
آرژنین	۰/۱۵۷۸	۰/۰۲۱۸	۰/۰۰۳۵	۰/۰۰۰۹	۰/۰۷۶۹	۰/۰۱۱۶	۰/۶۰۷۵	۰/۰۰۰۱	۰/۱۶۱۶
سیستین	۰/۰۸۹۳	۰/۰۱۱۴	-۰/۰۰۲۰	۰/۰۰۳۵	-۰/۲۲۰۱	۰/۰۰۰۱	۰/۴۹۱۹	۶/۴۸ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۹۶۴
هیستیدین	۰/۱۰۸۳	۰/۰۱۴۶	۰/۰۰۲۲	۰/۰۰۱۴	-۰/۱۵۱۲	۰/۰۰۱۶	۰/۵۵۱۷	۸/۰۷ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۷۲۷
ایزولوسین	۰/۰۸۳۰	۰/۰۲۲۳	۰/۰۰۵۳	۰/۰۰۱۸	-۰/۲۳۹۱	۰/۰۰۱۰	۰/۵۸۷۴	۰/۰۰۰۲	۰/۱۶۹۷
لوسین	۰/۲۳۴۳	۰/۰۸۷۴	۰/۰۳۰۲	-۰/۰۰۲۱	-۰/۸۰۴۶	۰/۰۰۶۹	۰/۵۸۹۷	۰/۰۰۲۹	۰/۱۵۴۸
لایزین	۰/۱۳۰۲	۰/۰۱۱۷	-۰/۰۰۲۷	۰/۰۰۲۳	۰/۰۹۱۵	۰/۰۰۷۷	۰/۴۹۰۶	۵/۳۹ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۹۳۳
متیونین	۰/۰۷۶۰	۰/۰۱۰۷	-۰/۰۰۰۴	۰/۰۰۱۳	-۰/۱۶۵۴	۰/۰۰۱۴	۰/۴۵۴۱	۶/۱۹ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۲۱۲۶
متیونین + سیستین	۰/۱۵۴۵	۰/۰۲۳۰	-۰/۰۰۱۸	۰/۰۰۵۳	-۰/۳۷۶۱	۰/۰۰۰۸	۰/۴۸۲۵	۰/۰۰۰۳	۰/۲۰۱۷
فنیل آلانین	۰/۱۱۵۲	۰/۰۳۲۰	۰/۰۱۰۵	-۰/۰۰۰۵	-۰/۲۳۸۹	۰/۰۰۴۰	۰/۶۰۹۸	۰/۰۰۰۳	۰/۱۵۳۳
ترفونین	۰/۱۲۲۴	۰/۰۱۹۴	۰/۰۰۳۵	۰/۰۰۱۵	-۰/۱۶۹۲	۰/۰۰۲۹	۰/۵۹۹۰	۰/۰۰۰۱	۰/۱۶۸۲
تریئوفان	۰/۰۳۲۹	۰/۰۰۲۸	۰/۰۰۰۲	۰/۰۰۰۳	۰/۰۱۶۱	۰/۰۰۱۷	۰/۵۴۲۴	۲/۴۳ × ۱۰ <sup>-۶</sup>	۰/۱۹۴۹
والین	۰/۱۳۲۸	۰/۰۲۸۰	۰/۰۰۵۵	۰/۰۰۲۹	-۰/۲۸۰۱	۰/۰۰۱۵	۰/۵۹۱۲	۰/۰۰۰۳	۰/۱۷۲۷

معادله خطی برآورد شده جهت پیش بینی میزان اسیدهای آمینه در ذرت  $a_0 + a_1*CP + a_2*CF + a_3*EE + a_4*P + a_5*ASH$  در این معادله  $a_i$  ضریب رگرسیون می‌باشد.

جدول ۸- برآورد فراسنجه‌ها و معیارهای تعیین صحت مدل خطی در گندم

گندم	a0	a1	a2	a3	a4	a5	R <sup>2</sup>	MSE	NRMSE
سیستین	۰/۱۹۹۳	۰/۰۲۸۴	۰/۰۰۵۵	-۰/۰۰۱۷	-۰/۰۴۴۴	۰/۰۲۱۷	۰/۶۰۸۵	۰/۰۰۰۲	۰/۱۶۸۱
هیستیدین	۰/۰۹۹۳	۰/۰۱۳۲	۰/۰۰۳۴	۰/۰۰۰۶	-۰/۰۲۵۲	۰/۰۰۹۲	۰/۶۴۰۰	۴/۰۳ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۶۸۱
ایزولوسین	۰/۰۶۶۹	۰/۰۱۶۴	۰/۰۰۴۵	-۰/۰۰۰۱	-۰/۰۶۰۹	۰/۰۱۲۲	۰/۶۳۷۰	۶/۹۵ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۶۰۳
ایزولوسین	۰/۰۸۱۰	۰/۰۲۴۵	۰/۰۰۶۲	-۱/۸ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	-۰/۰۸۵۸	۰/۰۱۸۵	۰/۶۳۳۶	۰/۰۰۰۲	۰/۱۶۳۵
لوسین	۰/۱۷۳۴	۰/۰۴۷۷	۰/۰۱۳۳	-۰/۰۰۲۸	-۰/۱۵۰۱	۰/۰۳۵۰	۰/۶۲۲۳	۰/۰۰۰۶	۰/۱۵۹۳
لایزین	۰/۱۸۰۴	۰/۰۱۲۴	۰/۰۰۱۵	-۰/۰۰۱۷	۰/۰۲۳۲	۰/۰۰۸۱	۰/۵۴۹۹	۵/۱۶ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۷۵۲
متیونین	۰/۰۵۹۲	۰/۰۰۹۹	۰/۰۰۲۴	-۰/۰۰۱۰	-۰/۰۰۲۷	۰/۰۰۶۷	۰/۵۹۸۳	۲/۶۹ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۶۷۴
متیونین + سیستین	۰/۱۶۰۴	۰/۰۲۳۰	۰/۰۰۵۹	-۰/۰۰۰۹	-۰/۰۲۱۶	۰/۰۱۶۰	۰/۶۱۴۸	۰/۰۰۰۱	۰/۱۶۹۰
فنیل آلانین	۰/۰۳۶۷	۰/۰۳۸۶	۰/۰۱۱۷	۵/۴۴ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	-۰/۱۹۶۰	۰/۰۲۹۶	۰/۶۴۰۲	۰/۰۰۰۴	۰/۱۶۱۳
والین	۰/۱۱۷۸	۰/۰۱۷۷	۰/۰۰۳۲	-۰/۰۰۲۱	-۰/۰۰۷۴	۰/۰۱۳۰	۰/۶۰۵۲	۸/۶۹ × ۱۰ <sup>-۵</sup>	۰/۱۶۹۵

معادله خطی برآورد شده جهت پیش بینی میزان اسیدهای آمینه در گندم  $a_0 + a_1*CP + a_2*CF + a_3*EE + a_4*P + a_5*ASH$



## بحث

با توجه با آنچه گفته شد مدل ANN در مقایسه با MLR جهت برآورد میزان هر یک از اسیدهای آمینه ذرت و گندم بر اساس ترکیبات شیمیایی (پروتئین خام، چربی خام، الیاف خام، فسفر و خاکستر) دارای قدرت تخمین بیشتری می‌باشد. در این تحقیق استفاده همزمان دو ماده مغذی پروتئین خام و فسفر گزینه‌های خوبی برای برآورد ضریب تبیین اسیدهای آمینه هستند. به نظر می‌رسد که اگر برای هر سویه شبکه جداگانه-ای آموزش داده شود، نتیجه بهتری حاصل شود. می‌توان برای بهبود کار روی بهینه کردن شبکه عصبی تمرکز کرد که در حال حاضر بهتری گزینه بهینه سازی ضرایب شبکه عصبی با استفاده از الگوریتم ژنتیک است.

## منابع

- 1- AOAC. (1990). *Official Methods of Analysis*. 15th edition. Association of official analytical chemists. Arlington, U. S. A.
- 2- Bashtiny, J. and Tavakoli, H. (2002). Nutritional value of five species of plants halophyt of desert regions of Khorasan province. *Journal of Research*. No. 55, pp: 5-2
- 3- Chareh saz, N. (2009). Study of NIR performance in compared with conventional laboratory methods for determining of range some species forage quality. Msc. Thesis, 110 P.
- 4- Cravener, T.L. and Roush, W.B. (1999). Improving neural network prediction of amino acid levels in feed ingredients. *Poultry Science*, 78: 983-991.
- 5- Cravener, T.L. and Roush, W.B. (2001). Prediction of amino acid profiles in feed ingredients: genetic algorithm calibration of artificial neural networks. *Animal Feed Science and Technology*, Vol, 90, pp: 131-141.
- 6- Hashemi, M. (2000). Food Culture. Tehran: dictionary, Vol, 1, pp: 5-34.
- 7- Johannes, F., Barbara, S. and Jutta, H. (2002). Near-Infrared Reflectance Spectroscopy (NIRS) Enables the Fast and Accurate Prediction of Essential Amino Acid Contents.2. Results for Wheat, Barley, Corn, Triticale, Wheat Bran/Middlings, Rice Bran, and Sorghum. *Journal of Agriculture and Food Chemistry*, Vol, 50, pp:3902-3911.

مقایسه بین مقادیر  $R^2$  و پارامترهای خطا در مدل‌های رگرسیونی و شبکه‌های عصبی مصنوعی می‌تواند بیان کننده دقت این مدل‌ها جهت برآورد مقادیر خروجی باشد به طوری که مدل دارای بیشترین  $R^2$  و کمترین خطا، از دقت بیشتری برخوردار است. صحت عملکرد مدل‌های ANN نسبت به MLR جهت تخمین مقادیر TMEn پودر گوشت و استخوان گزارش شده است (Perai et al, 2010).

پیش بینی عملکرد گندم در ارتباط با مصرف کود ازته با استفاده از دو روش شبکه‌های عصبی مصنوعی و رگرسیون چند متغیره نشان داد که استفاده از شبکه‌های مصنوعی روش جایگزینی مناسبی برای تجزیه و تحلیل رگرسیونی می‌باشد (Wu and Yen, 1992).

تعیین غلظت اسیدهای آمینه متیونین، سیستئین و تریئوفان در مواد غذایی و مواد هضمی دارای اهمیت خاصی است، زیرا در اغلب موارد این اسیدهای آمینه مهمترین اسیدهای آمینه محدود کننده هستند (Mesgaran et al, 1999).

با توجه به نتایج حاصل می‌توان اینگونه نتیجه گیری کرد که شبکه‌های عصبی مصنوعی نسبت به مدل‌های رگرسیونی می‌توانند ارتباطات بین ورودی و خروجی را در مورد این اسیدهای آمینه بهتر بیان کنند و قدرت تخمین مقادیر خروجی را بهبود بخشند. نتایج بدست آمده در این آزمایش موافق با نتایج گزارشات قبلی بود (Cravener and Roush, 1999; 2001., Roush and Cravener, 1997). همچنین بررسی مدل‌های خطی نشان داد که بین تجزیه تقریبی و میزان اسید آمینه موجود در ذرت و گندم رابطه خطی وجود دارد گرچه این روابط گاهی ضعیف بود. دقت معادلات رگرسیونی گزارش شده در NRC سال ۱۹۹۴ جهت تخمین میزان اسیدهای آمینه مواد خوراکی، متغیر و در برخی موارد پایین می‌باشد ( $R^2$  کمتر از ۰/۵).

NRC (۱۹۹۴) برای تخمین میزان اسیدهای آمینه (Y) برخی از اجزای خوراک با استفاده از پروتئین خام از مدل رگرسیونی مقابل استفاده کرده است.  $Y=a+bx$  در این معادله X پروتئین خام نمونه‌های خوراکی، a، عرض از مبدا و b، ضریب رگرسیون می‌باشد. همچنین برای تخمین اسید آمینه با استفاده از تجزیه تقریبی (پروتئین خام، چربی، فیبر خام و خاکستر)، مدل زیر پیشنهاد شده است:

$$Y=a + b_1 (\text{درصد پروتئین}) + b_2 (\text{درصد رطوبت}) +$$

$$b_3 (\text{درصد خاکستر}) + b_4 (\text{درصد فیبر}) + b_5 (\text{درصد چربی})$$

در این معادله  $b_i$  ضریب رگرسیون می‌باشد.

